

2021 年度（前期） 東京農業大学生物資源ゲノム解析センター  
「生物資源ゲノム解析拠点」共同研究公募要項

東京農業大学生物資源ゲノム解析センターは、生物資源ゲノム解析拠点として 2019 年 4 月に共同利用・共同研究拠点の再認定を受けました。本拠点では、本学教員との共同研究課題において、次世代シーケンサーを用いた遺伝情報解析研究を推進し、農学分野を中心とした新たな研究の展開を目指します。

以下の要領で、共同研究を公募します。

ホームページ： <http://www.nodai-genome.org/gabase/index.html>

※なお、本公募に関する説明会をリモート形式によるオンラインで実施する予定です。日程・参加方法等の詳細はホームページをご確認下さい。

1. 対象となる研究テーマ

次世代シーケンサーを利用した新しい農学研究分野を開拓するための共同研究。

2. 申請資格者

申請をおこなう研究代表者は、国公立大学、公的研究機関および民間企業等に所属し、当該分野の研究に従事する教員・研究者とします。また、学振 PD 研究員、科研費等で雇用された博士研究員も研究代表者として申請することは可能ですが、採択通知後に所属研究室の代表者（学振 PD 研究員の場合は受入研究者）の承諾書を別途ご提出していただく必要があります。なお、大学院生・大学学部生が研究代表者として申請することはできませんが、研究メンバーとして参加することは可能です。

3. 研究期間

2021 年 4 月 1 日～2021 年 10 月 31 日（予定）

4. 申請方法

- (1) 申請書（研究計画書を含む）の各様式は、本ページのリンクからダウンロードしてご使用下さい。なお提出の際は、記入漏れ等不備が無いことを十分確認をお願いいたします。
- (2) 申請にあたり、共同研究者となる本学教員を記入頂きます。当該の教員と事前に研究計画・体制の詳細を打合せのうえご申請ください。また、当該

の教員から、共同研究の承諾について当センター宛てにメールを送って頂くよう依頼して下さい。(件名：2021年度(前期)申請承諾、本文：以下の共同研究申請について承諾します。課題名と代表者所属・氏名を書いてください。)なお、本学共同研究者に関するセンターへの問い合わせは2021年1月15日(金)までをお願いいたします。

- (3) 次世代シーケンサーを受託するサービスが増えてきています。課題が採択された場合には経費支援も含まれますので、それらを利用せず、本拠点を申請する理由を共同研究内容の視点から記載して下さい。(申請書項目3)
- (4) 以前に採択課題があり、申請時点で学术论文として成果報告をされていない場合は、それに関する進捗状況と今後の予定を詳細にご記入ください。(申請書項目6)
- (5) 採択にあたり、研究内容、組織等についてこちらからご提案や、条件がつく場合があります。例えば、申請に含まれていない研究者との共同研究提案などがあります。また、HiSeq2500を希望される場合、当センターの運用上の都合によりNextSeq500に変更となる場合があります。

## 5. 申請書提出期限

### ➤ 様式1 共同研究申請書 及び 別表1 研究計画一覧表

シーケンスデータ量等に関して、以下のURL先を参考のうえ申請書を作成して下さい。

<http://www.nodai-genome.org/gabase/detail.html>

2021年2月1日(月)まで(必着)にPDFファイルにして下記宛にメール添付でお送り下さい。

E-mail: [kyoten-g@nodai.ac.jp](mailto:kyoten-g@nodai.ac.jp)

件名に「共同研究申請：代表者氏名」と書いて下さい。

※なお、印刷された書類による提出は不要です。

## 6. 採択結果

審査は運営委員会において決定後、2021年3月下旬ごろに、申請者へ内定の通知を行う予定です。その後、各種条件等を確認の上、最終的に採択となります。なお、採択については、本学の予算の確定により、件数等の変更が起こる可能性があります。

採択予定数：15件程度。

審査においては、

1. 研究テーマ、目的の新規性、重要性、独創性
2. 研究テーマの農学分野との関連性
3. 実験計画が目的達成につながる内容になっているか
4. 予算の妥当性 (3. と関連)
5. 継続の場合、継続の必要性、発展性

を中心に判断を行います。最終的に以下の観点を優先的に考慮した採択も数件行う予定です。

- ・新規申請者 (特に NGS の未経験者)
- ・若手研究者 (研究者が所属するグループの状況も加味することがあります)
- ・研究資金が限られている (申請と関係が無いプロジェクトでの取得、あるいは申請者が所属する研究グループでの取得状況も加味することがあります)
- ・ショートリード NGS を用いた新規手法開発を目的とする課題

一方で、採択の優先度が下がる可能性がある場合として、以下が含まれます。

- ・過去に複数回の採択実績があるが、その成果が未発表
- ・本学の特定の共同研究者に採択が偏る場合

#### 7. 共同研究報告書の提出

採択となった研究課題の研究代表者は、年度末に報告書を、研究終了後に最終報告書を所定の書式で提出していただきます。

#### 8. 研究成果発表と情報公開

- (1) 研究代表者・採択課題名については、ホームページ上などで公開を行います。また、年度末にニュースレターにて研究紹介をしていただきます。
- (2) 採択研究課題の成果発表については共同研究による成果として、支援担当者 (本学教員を含む) を共著者として頂きます。成果のマスコミ等への掲載についても同様となります。またその他、拠点のシンポジウム、広報等にご協力いただきます。
- (3) 論文や学会発表等においては、本拠点の利用について謝辞への記載をお願いいたします。

#### 9. 知的財産権の取り扱い

東京農業大学知的財産関連規則等を準用します。

10. 個人情報の取り扱い

お送りいただいた個人情報は審査に関わる目的以外には使用しません。

本公募における共同研究を検討される場合の問い合わせにつきましては、末尾にあるメールアドレスをお願いいたします。

なお、2020年12月29日から2021年1月7日は大学業務休止期間のため、問い合わせへの対応はできませんので、予めご了承ください。

連絡、書類送付先

東京農業大学

生物資源ゲノム解析センター

事務担当宛

〒156-8502 東京都世田谷区桜丘1-1-1

TEL 03-5477-2719, FAX 03-5477-2377

E-mail: [kyoten-g@nodai.ac.jp](mailto:kyoten-g@nodai.ac.jp) (できるだけ E-mail をお願いいたします。)